

بررسی تنوع ژنتیکی برخی از توده های بومی خربزه ثیان (ملونها) در ایران با استفاده از مارکر مولکولی RAPD

احسان فیضیان^۱، مختار جلالی جواران^۲، حمید دهقانی^۳ و حمید زامیاد^۳

۱- دانشجوی دکترای اصلاح نباتات دانشگاه تربیت مدرس،

۲- استادیار گروه اصلاح نباتات دانشگاه تربیت مدرس

۳- دانشجوی کارشناسی ارشد دانشگاه تربیت مدرس

گسترش شهرنشینی و نیز استفاده از بذور اصلاح شده فرسایش ژنتیکی شدیدی را در گونه های گیاهی کشورمان ایجاد کرده است که در این میان سبزیجات و صیفی جات در خطر فرسایش شدیدتری قرار

دارند. ایران یکی از مراکز تنوع برای ملونها (خانواده خربزه نیان) محسوب می شود. در این مطالعه از ۳۰ توده بومی خانواده خربزه نیان برای ارزیابی میزان تنوع و نیز میزان رقابت گروه های مختلف Cucumis (Cucumis melo (Cantaloupensis, Inodorus, Flexousous, Reticulatus) استفاده گردید. استخراج DNA با استفاده از روش دلاپورتا انجام شد. تکثیر لوکوسها با استفاده از ۱۰ آغازگر رپید مورد بررسی قرار گرفت. درصد چند شکلی در این آزمایش ۱۹٪ تعیین شد. تجزیه خوشه ای با استفاده از مارکر مولکولی نتوانست گروه های مختلف را از یکدیگر متمایز کند که عدم تفکیک این گروه ها از یکدیگر مبین آن است که ژنوم این گروه ها بسیار به هم نزدیک است. آغازگر VB84 توانست خیار چنبرهای مورد بررسی را در یک گروه (با تشکیل باندهای اختصاصی) قرار دهد.

واژه های کلیدی: تنوع ژنتیکی، ملون، مارکر مولکولی، رپید