

شناسایی آلل های خود ناسازگاری در ۱۵ رقم و ژنوتیپ برتر بادام ایرانی (*Prunus dulcis mill*) با استفاده از تکثیر اختصاصی و عمومی آلل ها به روش واکنش غیر زنجیره ای پلیمرز

بابک ولیزاده کاجی، احمد ارشادی، منصور غلامی، علی دلجو

دانشجوی کارشناسی ارشد، استادیار و دانشیار گروه علوم باغبانی دانشگاه بوعلی سینا و استادیار گروه بیوتکنولوژی دانشگاه بوعلی سینا همدان

بادام از مهمترین درختان خشکباری دنیا می باشد. اکثر ارقام بادام دارای خودناسازگاری گامتوفیتیک هستند که توسط یک مکان ژنی با چندین فرم آلی کنترل می شود و لذا برای تشکیل میوه کافی و تجارتي باید از گرده زای مناسب و سازگار استفاده شود. در این تحقیق ژنوتیپ خودناسازگاری پانزده رقم و ژنوتیپ برتر بادام ایرانی با استفاده از تکثیر اختصاصی و عمومی آلل ها به روش واکنش زنجیره ای پلی مرز و با آغازگرهای اختصاصی و عمومی طراحی شده برای آلل های خودناسازگاری تعیین شد. با استفاده از این روش پانزده آلل از سی آلل خودناسازگاری شناسایی گردید که بیشترین فراوانی مربوط به آلل S7 و کمترین فراوانی مربوط به آلل S2 بوده است. نتایج این بررسی نشان داد که تکثیر آلل های ناسازگاری به روش واکنش زنجیره ای پلیمرز یک روش سریع و موثر برای تعیین ژنوتیپ ناسازگاری در ارقام بادام می باشد.