

تاثیر پروتئین کل در سازگاری/ناسازگاری پیوند گلابی روی کوئینز A

حمید حسن پور^۱ غلامحسین داوری نژاد^۲

۱- دانشجوی کارشناسی ارشد رشته باغبانی دانشگاه فردوسی مشهد

۲- عضو هیات علمی گروه علوم باغبانی دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد

این مطالعه به منظور بررسی تاثیر پروتئین کل در ناسازگاری پیوند و ارتباط پلی پپتیدها بعنوان مارکر ناسازگاری در گلابی روی کوئینز، انجام گردید. ارقام استفاده شده پاسکراسان (P)، بوره هاردی (BH)، درگز (D)، بارتلت (B) برد. نمونه‌های پوست از پیوندکهای پیوند شده روی کوئینز و پایه بذری گلابی جمع گردید. پروفیل پروتئین نمونه‌ها با استفاده از SDS-PAGE تعیین گردید. پروتئین‌های قابل حل کل با استفاده از روش برادفورد تعیین شد. بطور کلی پیوندکهای پیوند شده روی کوئینز A مقدار پروتئین بیشتری از پیوندکهای پیوند شده روی پایه بذری داشتند. بالاترین مقدار پروتئین در ترکیب BH/QA مشاهده شد. با وجود این هیچ همبستگی خطی بین مقدار پروتئین کل و سازگاری پیوند وجود نداشت. یک باند پروتئین KDa63 در پیوندکهای سازگار (BH,P) مشخص گردید. در حالیکه این باند در پیوندکهای ناسازگار (D,B) بسیار ضعیف یا اصلاً مشاهده نشد. نتایج نشان داد که این پلی پپتید می‌تواند با سازگاری/ناسازگاری پیوند گلابی روی کوئینز در ارتباط باشد.

واژه‌های کلیدی: ناسازگاری، کوئینز A، پیوندک، پروتئین، پلی پپتید، روش برادفورد، SDS-PAGE