

بررسی تنوع ژنتیکی ارقام زیتون با استفاده از نشانگرهای SSR و صفات مورفولوژیک

عمار تقوی، علی حق نظری، جواد نجفی، محمود عظیمی

دانشگاه زنجان، دانشکده کشاورزی

به منظور بررسی تنوع ژنتیک ارقام و کولتیوارهای خارجی و ایرانی کشت شده زیتون در ایران ۷۵ رقم موجود در مرکز تحقیقات زیتون طارم با استفاده از صفات مورفولوژیک و نشانگرهای SSR مورد آنالیز قرار گرفتند. DNA از برگ ارقام و با استفاده از روش CTAB پایه استخراج و مورد آزمون PCR قرار گرفتند. محصولات

بیوتکنولوژی - شفاهی

PCR بر روی ژل آکرلامید ۷٪ بارگذاری و الکتروفورز گردیده و سپس با استفاده از رنگ آمیزی نیترات نقره مشاهده سازی انجام گرفت. نتایج اولیه با استفاده از ۴ مکان SSR جمعا ۸۴ آلل چند شکل نشان دادند. میانگین هتروزیگوسیتی مورد انتظار ۶۹٪ و مشاهده شده ۹۵٪ بود. این رویه به دلیل خاصیت دگرگشتن بودن کاملا قابل پیش بینی بود. قدرت این دسته از نشانگرها برای تفکیک ارقام مختلف با استفاده از معیار PI مورد سنجش قرار گرفت. اعداد به دست آمده برای جایگاههای مختلف SSR مقدار حداکثر ۰/۳۷۵ و حداقل ۰/۰۱ را نشان داد که نشان دهنده قدرت بالای نشانگرهای استفاده شده است. PI کل برابر با $10^{-7} \times 2/85$ محاسبه گردید. آنالیزهای اولیه مقادیر یالایی از هم نامی را در بین کلونهای بومی ایرانی نشان داد. همچنین داده های مولکولی با موفقیت توانستند ارقام هیبرید و والدین احتمالی آنان را مشخص کنند.