

بررسی تنوع ژنتیکی و تجزیه به عامل ها برای صفات مورفولوژیک ارقام انگور

مهدی هاشمزی (۱)، ابوالقاسم مرادقلی (۲)، مجتبی کمالی (۳)

۱- کارشناس ارشد اصلاح نباتات، مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی سیستان، ۲- کارشناس ارشد زراعت، مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی سیستان، ۳- کارشناس زراعت، مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی سیستان

به منظور مطالعه تنوع ژنتیکی و بررسی روابط میان صفات مورفولوژیک ارقام انگور تعداد ۲۰ رقم انگور زودرس داخلی و خارجی موجود در ایستگاه تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی زهک مورد ارزیابی قرار گرفت. قالب طرح بلوکهای کامل تصادفی در ۳ تکرار بود. تجزیه و تحلیل عاملی نشان داد که سه عامل اول روی هم رفته ۷۹/۳۴ درصد از تغییرات موجود بین صفات را توجیه می نمایند. عامل اول ۳۱/۸۶ درصد از واریانس بین صفات را به خود اختصاص داده و نقش مهمی در توجیه تغییرات متغیرهای طول دم میوه، وزن ۱۰۰ حبه، طول حبه، ایفا نمود. لذا می توان این عامل را تحت عنوان عامل حبه نامید. عامل دوم ۲۴/۹۷ درصد از واریانس صفات را به خود اختصاص داده، صفاتی مثل عرض خوشه و وزن خوشه دارای ضرایب عاملی مثبت است. این عامل را می توان عامل اندازه خوشه نامید. عامل سوم ۲۲/۴۹ درصد از واریانس صفات را به خود اختصاص داده، صفت عملکرد دارای ضرایب عاملی مثبت است در حالی که درصد مواد جامد محلول ضریب عاملی منفی را در همین عامل داشته و به عبارتی صفت اخیر نقش صفت دارای ضریب عاملی مثبت را در این عامل خنثی کرده این عامل را می توان عامل مطلوبیت عملکرد نامید.

کلمات کلیدی: انگور، تنوع ژنتیکی، همبستگی، تجزیه به عامل ها.

مقدمه:

انگور به عنوان یک میوه خوراکی با فراورده های جانبی زیاد از مهمترین میوه هایی است که از دیرباز مورد استفاده بشر قرار گرفته است، انگور ارزشمندترین محصول باغبانی در سطح جهانی است (۳). در حدود سال ۱۹۵۰ این نظریه قوت یافت که منابع ژنتیکی به سرعت در حال تخریب می باشند و یا به اصطلاح فرسایش ژنتیکی اتفاق می افتد. در حقیقت فرسایش ژنتیکی در طول دهها سال بر اثر سرعت زیاد در تخریب مواد ژنتیکی تداوم یافته است و اگر با همان سرعت پیش می رفت تا سال ۲۰۰۰ خزانه ژرم پلاس طبیعی همه نابود شده بودند. تنوع ژنتیکی رکن اصلی بیشتر برنامه های اصلاحی بوده و انجام گزینش منوط به وجود تنوع ژنتیکی مطلوب از حیث صفت مورد بررسی می باشد (۱). متیو و همکاران (۱۹۹۵) همبستگی فنوتیپی بین وزن حبه با طول حبه و عرض حبه و استحکام حبه به خوشه را به ترتیب ۰.۸۰، ۰.۶۵ و ۰.۵۰ برآورد کردند.

مواد و روش ها:

به منظور بررسی تنوع ژنتیکی ارقام انگور زودرس خارجی و داخلی در منطقه سیستان این تحقیق بر روی ارقام موجود در ایستگاه تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی زهک انجام شد. قالب طرح بلوک های کامل تصادفی با سه تکرار بود. برای صفات کمی و کیفی شامل وزن، طول و عرض خوشه، طول حبه، وزن ۱۰۰ حبه، طول دم میوه براساس دیسکریپتور موجود (IBPGR) برای انگور ارزیابی شدند. از اوایل تابستان به بعد همزمان با رسیدن میوه ها سه خوشه کاملا رسیده از هر بوته انتخاب و صفات مورد نظر برای خوشه اندازه گیری و ثبت شد. ارقام مورد استفاده در این طرح عبارتند از:

جدول ۱- اسامی ارقام انگور مورد آزمایش

شماره	ارقام
۱	بیدانه سفید قزوین
۲	بیدانه قزوین قزوین
۳	پزل
۴	تخم تهرانی شیراز
۵	قدوس
۶	رضوان سفید
۷	خیلی بیدانه
۸	خیلی ورامین
۹	شاهانی قزوین
۱۰	شاهانی قزوین
۱۱	وردامین سفید
۱۲	عسکری سفید
۱۳	مولایی شهریار
۱۴	سفید زابل
۱۵	سفید شیراز
۱۶	سیاه شیراز
۱۷	یاقوتی قزوین زابل
۱۸	یاقوتی قزوین قزوین
۱۹	یاقوتی قزوین قزوین
۲۰	یاقوتی قزوین ورامین

برای تجزیه و تحلیل اطلاعات و رسم شکل ها به ترتیب از نرم افزار های SPSS و EXCEL استفاده شد.

نتایج و بحث:

همبستگی ساده صفات

نتایج ضرایب همبستگی ما بین صفات در (جدول ۲) آورده شده است. نتایج نشان داد که عملکرد با درصد مواد جامد محلول همبستگی منفی و معنی داری در سطح احتمال ۱ درصد نشان داد. همچنین صفت طول دم میوه همبستگی مثبت و معنی دار با صفات طول حبه و وزن ۱۰۰ حبه نشان داد. طول حبه نیز همبستگی مثبت و بسیار بالایی با طول حبه نشان داد.

جدول ۲- ضرایب همبستگی ساده صفات ۲۰ رقم انگور

عملکرد	وزن خوشه	طول خوشه	عرض خوشه	طول حبه	وزن ۱۰۰ حبه	درصد مواد محلول	طول دم میوه
۰/۰۱	۰/۰۱	۰/۱۹	۰/۲۳	۰/۵۹**	۰/۶۶**	-۰/۱۲	۱
-۰/۵۷**	-۰/۴۳	-۰/۰۱	-۰/۱۵	-۰/۴۸*	-۰/۵۷**	۱	
۰/۲۴	۰/۳۹	۰/۲۵	۰/۴۵*	۰/۹۳**	۱		
۰/۱۶	۰/۳۳	۰/۳۶	۰/۳۹	۱			
۰/۰۴	۰/۱۵**	۰/۳۲	۱				
-۰/۰۱	۰/۱۰	۱					
۰/۲۳	۱						
۱							

* و ** به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۱٪ و ۵٪

تجزیه به عاملها

از روش تجزیه به مولفه های اصلی به منظور استخراج ماتریس بارهای عاملی و همچنین تخمین عوامل استفاده شد، بر این اساس عامل هایی که دارای ریشه مشخصه بزرگتر از یک بودند انتخاب گردیده و برای تشکیل ماتریس ضرایب عاملی بکار گرفته شدند. با استفاده از چرخش وریماکس، بر روی ماتریس بارهای عاملی اصلی چرخش انجام شده و بدین ترتیب ماتریس بارهای عاملی چرخش یافته بدست آمد (۲،۵،۶). بمنظور تفسیر بهتر و منطقی تر، ضرایب عاملی بالای ۰/۵ به عنوان ضرایب عاملی معنی دار گرفته شد (۵،۶).

تجزیه و تحلیل عاملی نشان داد که سه عامل اول روی هم رفته ۷۹/۳۴ درصد از تغییرات موجود بین صفات را توجیه می نمایند (جدول ۳). عامل اول ۳۱/۸۶ درصد از واریانس بین صفات را به خود اختصاص داده و نقش مهمی در توجیه تغییرات متغیرهای طول دم میوه، وزن ۱۰۰ حبه، طول حبه، ایفا نمود. لذا می توان این عامل را تحت عنوان عامل حبه نامید. عامل دوم ۲۴/۹۷ درصد از واریانس صفات را به خود اختصاص داده، صفاتی مثل عرض خوشه و وزن خوشه دارای ضرایب عاملی مثبت است (جدول ۴). این عامل را می توان عامل اندازه خوشه نامید که انتخاب بر اساس این عامل مطمئناً ارقامی با عرض خوشه و وزن خوشه زیاد برگزیده خواهند شد. عامل سوم ۲۲/۴۹ درصد از واریانس صفات را به خود اختصاص داده، صفت عملکرد دارای ضرایب عاملی مثبت است در حالی که درصد مواد جامد محلول ضریب عاملی منفی را در همین عامل داشته و به عبارتی صفت اخیر نقش صفت دارای ضریب عاملی مثبت را در این عامل خنثی کرده این عامل را می توان عامل عدم مطلوبیت عملکرد نامید.

جدول ۴- تجزیه به عامل ها برای صفات مورد مطالعه

به روش مولفه های اصلی و چرخش وریماکس

جدول ۳- مقادیر ویژه، درصد واریانس و

درصد تجمعی واریانس عامل های استخراج شده

میزان اشتراک	سوم	دوم	اول	صفات	درصد واریانس تجمعی	درصد واریانس	مقادیر ویژه	عامل
۰/۷۴۷	-۰/۰۳۸	-۰/۰۶	۰/۸۶	طول دم میوه	۳۱/۸۶	۳۱/۸۶	۲/۵۴	۱
۰/۸۲۳	-۰/۰۸۵	-۰/۰۱۸	-۰/۰۲۶	درصد مواد جامد محلول	۵۶/۸۴	۲۴/۹۷	۱/۹۹	۲
					۷۹/۳۴	۲۲/۴۹	۱/۸۰	۳
۰/۹۳۴	۰/۳۶	۰/۲۷	۰/۸۵	وزن ۱۰۰ حبه				
۰/۸۷۸	۰/۲۵	۰/۲۴	۰/۸۶	طول حبه				
۰/۹۳۴	-۰/۰۲	۰/۹۳	۰/۲۴	عرض خوشه				
۰/۳۷۹	-۰/۰۲۸	۰/۳۲	۰/۴۴	طول خوشه				
۰/۹۴۶	۰/۳۰	۰/۹۲	۰/۳۳	وزن خوشه				
۰/۷۰۶	۰/۸۴	۰/۰۳۳	-۰/۰۰۲	عملکرد				

منابع:

۱. حاجی امیری، ا. ۱۳۷۴. شناسایی ارقام انگور بومی منطقه کرمانشاه. پایان نامه کارشناسی ارشد باغبانی. دانشگاه

تهران.

- Harman, H.H. 1976; Modern factor analysis. 3rd ed. University of Chicago Press, Chicago. 376 pp.
- Mattheou, A., N. Stavropoulos. & S. Samaras. 1995. Studies on table grape germplasm grown in Northern Greece. II. Seedlessness, berry and must characteristics. *Vitis* 34 (4), pp: 217-220.
- Owens, C. L. (2008). Grapes. In: J. F. Hancock (Ed), Temperate fruit crop breeding germplasm to genomics. (pp.197-234.) Springer Science.
- Sharma, S. 1996; Applied multivariate techniques. 1st ed. John Wiley and Sons, New York. 493 pp
- Tadesse, W. and E. Bekele. 2001; Factor analysis of yield in grasspea (*Lathyrus sativus* L.). *Lathyrus Lathyrism Newsletter*. 2: 416-421.