

فاکتورهای موثر بر باززایی مستقیم در ارقام گلابی (*Pyrus communis L.*)

مهديه يوسفی آرا، مریم جعفر خانی کرمانی، معصومه عمادپور و علی اکبر حبشی
پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی ایران، تهران، کرج

چکیده

گلابی مهمترین محصول مناطق معتدل جهان پس از انگور و سیب است. اصلاح گلابی با استفاده از روشهای سنتی به طور عمده بر اساس هیبریداسیون درون و بین گونه ای می باشد که به علت سطح بالای هتروزیگوسی در گلابی، پلی ژنیک بودن صفات و دوره جوانی طولانی بکارگیری این روشها، مشکل و نیازمند صرف زمان و هزینه بسیار است. بنابراین اصلاح ژنتیکی ارقام گلابی با استفاده از روشهای نوین القا جهش و مهندسی ژنتیک مورد توجه واقع شده است. در این راستا وجود پروتکل های موثر و قابل تکرار برای سیستم های باززایی در شرایط درون شیشه ای پیش نیاز اصلی محسوب می شود. هدف از مطالعه حاضر ارائه پروتکل موثر باززایی برای دو رقم تجاری گلابی بود. به این منظور از محیط پایه Nitsch حاوی تنظیم کننده های رشد شامل TDZ با غلظت های (۰، ۲/۵، ۵، ۷/۵ میکرومولار) و BAP با غلظت های (۰، ۴، ۸، ۱۶ میکرومولار) همراه با NAA (۰ و ۱ میکرومولار) برای القا باززایی مستقیم استفاده شد. ریزنمونه برگ از گیاهچه های استقرار یافته در شرایط این ویترو جدا و با برش عمودی بر رگبرگ میانی به سه بخش تقسیم گردیدند. نتایج نشان داد که ظرفیت باززایی مستقیم در گلابی بسیار وابسته به کولتیوار می باشد به طوری که میزان باززایی در رقم درگزی به طور معنی داری بیشتر از رقم بارتلت بود. در محیط کشت حاوی TDZ (۷/۵) میکرومولار همراه با NAA (۱) میکرومولار در هر دو کولتیوار بالاترین درصد باززایی مشاهده شد.

مقدمه

گلابی مهمترین محصول مناطق معتدل جهان پس از انگور و سیب است. اصلاح گلابی با استفاده از روشهای سنتی به طور عمده بر اساس هیبریداسیون درون و بین گونه ای می باشد که به علت سطح بالای هتروزیگوسی در گلابی، پلی ژنیک بودن صفات و دوره جوانی طولانی بکارگیری این روشها مشکل و نیازمند صرف زمان و هزینه بسیار می باشد. بنابراین اصلاح ژنتیکی ارقام گلابی با استفاده از روشهای نوین القا جهش و مهندسی ژنتیک مورد توجه واقع شده است. در این راستا وجود پروتکل های موثر و قابل تکرار برای سیستم های باززایی در شرایط درون شیشه ای پیش نیاز اصلی محسوب می شود. هدف از مطالعه حاضر ارائه پروتکل موثر باززایی برای دو رقم تجاری گلابی بود.

مواد و روشها

برگهای توسعه یافته درون شیشه ای ارقام بارتلت و درگزی جدا شده و با دو برش عمود بر رگبرگ اصلی به سه بخش تقسیم گردیدند. ریزنمونه ها در محیط کشت پایه Nitsch همراه با تیمارهای هورمونی TDZ (T0=0, T1=2.5, T2=5, T3=7.5) میکرومولار) و BAP (B0=0, B1=4, B2=8, B3=16) میکرومولار) بدون NAA یا در ترکیب با ۱ میکرومولار NAA (T0+N, T1+N, T2+N, T3+N, B0+N, B1+N, B2+N, B3+N) حاوی ۳۰ g/L ساکارز و ۷ g/L آگار (pH=5.8) کشت شدند. ریزنمونه ها به مدت ۴ هفته در تاریکی قرار گرفته سپس واگشت شده و به شرایط نوری استاندارد منتقل شدند.

Factors affecting direct shoot regeneration in pear cultivars (*Pyrus communis* L.)

Yousefiara M., * Jafarkhani Kermani M., Emadpour M. and Habashi A.A.
E-mail: m.j.kermani@abrii.ac.ir

Agricultural Biotechnology Research Institute of Iran, Tehran, Karaj, Mahdasht Road, P.O. Box:
31535-1897

Abstract:

Pear (*Pyrus*) is the third most important temperate fruit in the world, next to grapes and apples. Pear breeding by conventional methods, largely based on intra- and inter-specific hybridization is difficult, because it is highly heterozygous, polygenic and has a long juvenile period. Genetic improvement of pear cultivars is possible through inducing mutations and gene transfer by genetic engineering. A general prerequisite for these approaches is to establish an efficient plant regeneration system. The objective of the present study was to develop an efficient protocol for direct regeneration of Bartlett and Dar Gazi cultivars. The basal Nitsch media supplemented with different concentration of TDZ (0, 2.5, 5, 7.5 μ M) or BAP (0, 4, 8, 16 μ M) in combination with NAA (0, 1 μ M) were used. The expanded leaves of the cultivars were taken from proliferating *in vitro* shoots. The leaves were cut, perpendicular to the midrib, into three sections. The results showed that direct regeneration capacity was highly related to genotype. Although regeneration rate in Dar Gazi was significantly higher than Bartlett, the highest percentage of regeneration in both cultivars was observed in the medium containing TDZ (7.5 μ M) and NAA (1 μ M).