

روشهای تهیه نقشه ملکولی محصولات بااغی

منصور امیدی و علی اکبر شاه نجات بوشهری

گروه زراعت و اصلاح بناات دانشکده کشاورزی دانشگاه تهران، کرج

تهیه نقشه های لینکازی در گذشته بیشتر جنبه تئوری داشت، به طوری که ترتیب ژنها در روی کروموزومها تعیین و پیش بینی هایی از نظر فراوانی نوتروکبیتی صورت می گرفت. گسترش مارکرهای ملکولی، دیدگاه متخصصین اصلاح بناات را نسبت به نقشه های ژنتیکی به طور چشمگیری تغییر داده است و اکثر بهزادگران متقاعد شده اند که در هر برنامه بهترادی پیشرفتی باید بخشی را به امور آزمایشگاهی اختصاص دهنند.

در حال حاضر متخصصین اصلاح بناات قادر به شناسایی نواحی مختلف ژنومهای گیاهی بوده و با بررسی DNA بافت بذر انتخاب ژنتیکیهای مطلوب را حتی قبل از جوانه زنی انجام می دهند. تاکنون متخصصین ژنتیک به دلایلی موجه به گونه های بااغبانی توجه چندانی نداشته اند. به عنوان مثال در گونه های دائمی چوبی، اندازه بزرگ این گیاهان و دوره طولانی یک نسل آنها را می توان به عنوان مهمترین دلایل ذکر کرد. تحقیق روی چنین محصولاتی برای متخصصینی که امکاناتشان محدود و نیاز به ارایه سریع نتایج تحقیقاتی خود دارند مشکل است.

هدف از این مقاله بررسی روشهای مختلف تهیه نقشه ملکولی در گیاهان بااغی به منظور تسريع در اصلاح آنهاست. بنابراین نخست شرح مختصری از مارکرهای ملکولی داده می شود سپس کاربرد آنها تسريع می گردد.